

CAPITOLATO TECNICO PRESTAZIONALE

Servizi di sequenziamento di acidi nucleici

OGGETTO

Fornitura di servizi di sequenziamento genomico, sequenziamento di trascrittomi, sequenziamento di metagenomi

VALORE STIMATO DEL SERVIZI POSTO A BASE D'ASTA

€ 450.000,00 IVA esclusa

CARATTERISTICHE PRESTAZIONALI DELLA STRUMENTAZIONE

I servizi che devono essere forniti dalla ditta sono i seguenti:

1. Sequenziamento genomico
 - a. Preparazione di librerie genomiche con disponibilità di dual-index tale da garantire il multiplexing in sequenziamento di almeno 192 librerie per lane.
 - b. Sequenziamento Illumina su piattaforma NovaSeq X con strategia di sequenziamento 150 paired-end.
 - c. Preparazione di librerie HiFi per sequenziamento PacBio SMRT.
 - d. Sequenziamento SMRT-cell su piattaforma PacBio Sequel[®] IIe o Revio.
2. Sequenziamento di trascrittomi
 - a. Preparazione di librerie strand specific per RNA-seq da RNA eucariotico e sequenziamento su piattaforma NovaSeq X.
 - b. Iso-seq sequencing (Sequenziamento di trascritti full-length) tramite tecnologia PacBio SMRT. Questo include preparazione di librerie da RNA e loro sequenziamento su piattaforma PacBioSequel[®] IIe o Revio.
3. Sequenziamento di metagenomi
 - a. 16S Amplicon sequencing (regione V3-V4). Questo include la preparazione di librerie di ampliconi tramite l'utilizzo dei primer universali per la regione V3-V4 del 16S rRNA e sequenziamento su piattaforme Illumina con strategia di sequenziamento 250 paired-end.
 - b. Shotgun Metagenomic Sequencing. Questo include preparazione di librerie genomiche e Sequenziamento su piattaforma Illumina NovaSeq X.

Tempistiche di consegna dei dati

I dati di sequenziamento devono essere consegnati entro 6 settimane dalla ricezione dei campioni.